

醫學研究所 及 研究資源整合發展中心

次世代定序及生物資訊分析研習營

課程代碼：OS

1 上課日期：7月10日至7月11日

2 上課目標：



本課程安排實際研究成果與經驗分享，帶領各位學員從了解定序數據分析方法與應用成果開始入門，進一步透過實機操作學習DNA和RNA-Seq等數據分析流程與其使用之方法，分析完成後再利用生物資訊及公共資料庫進行進階分析。

期望讓研究者在實務概念與技術都能一次獲得，並大幅提升本校研究生在轉譯醫學和精準醫療的研究能力。

3 參加對象：全校博碩士學生。

次世代定序及生物資訊分析研習營

課程規劃日程表

7/10

上課時間	講 題	主講人	授課地點
08:00-10:00	NGS定序技術及平台 Exome sequencing data analysis Data cleaning, mapping, variant calling and annotation	孫孝芳教授	國研大樓 三樓IR334 電腦教室
10:00-12:00	Exome sequencing data analysis Data cleaning, mapping, variant calling and annotation	孫孝芳教授	
13:00-17:00	Exome sequencing data analysis: Structure variant, identification and analysis	孫孝芳教授 Alan Tang	



次世代定序及生物資訊分析研習營

課程規劃日程表

7/11

上課時間	講 題	主講人	授課地點
08:00-10:00	Introduction on high-throughput data analysis: challenges and opportunities	張憶壽教授	國研大樓三樓 IR334 電腦教室
10:00-11:00	Public Domain Gene Expression Data Repository for Cancer Research	江士昇研究員	
11:00-12:00	Preprocessing for High Throughput Data Analysis	陳中興博士	
13:00-17:00	GSEA分析實作	江士昇研究員 蔡芳榆技術員	

